

Облікова картка НДДКР

Державний обліковий номер: 0212U005729

Державний реєстраційний номер: 0112U003653

Відкрита

Дата реєстрації: 26-12-2012



1. Етапи виконання

Номер етапу: 1

Назва етапу: Дослідження генетичної мінливості присиснів родини Opisthorchidae у природних осередках опісторхідозів Російської Федерації і України

Початок етапу: 06-2012

Закінчення етапу: 12-2012

Вид звітнього документа: Остаточний звіт

2. Виконавець

Назва організації: Національний науковий центр "Інститут експериментальної і клінічної ветеринарної медицини"

Код ЄДРПОУ/ІПН: 00497087

Підпорядкованість: Національна академія аграрних наук України

Адреса: 61023, м. Харків, вул. Пушкінська, 83

Телефон: 057-707-20-44

Телефон: 057-704-10-90

E-mail: admin@vet.kharkov.ua

3. Власник результатів НДДКР (продукції)

Назва організації: Державне агентство з питань електронного урядування України

Код ЄДРПОУ/ІПН: 37471818

Адреса: вул. Ділова, 24, м. Київ, Київ, 03150, Україна

Підпорядкованість: Кабінет Міністрів України

Телефон: 2071730

WWW: <http://e.gov.ua>

4. Джерела та напрями фінансування

Підстава для проведення робіт: 34 - договір (замовлення) з центральним органом виконавчої влади, академією наук (головними розпорядниками бюджетних коштів на проведення НДДКР)

КПКВК: 5031050

Напрямок фінансування: 2.1 - фундаментальні дослідження

Джерела фінансування

Джерело фінансування: 7713 – кошти держбюджету

Фактичний обсяг фінансування за звітний етап: 65 тис. грн.

5. Науково-технічна робота

Назва роботи (укр)

Дослідження генетичної мінливості присиснів родини Opisthorchiidae у природних осередках опісторхідозів Російської Федерації і України

Назва роботи (англ)

Genetic variability investigation of liver flukes of Opisthorchiidae family in natural foci of opisthorchiidiasis in Russian Federation and Ukraine

Реферат (укр)

Об'єкт дослідження – опісторхіди, паразити, риби, геном, молюски, м'ясоїдні, водні об'єкти. Мета роботи – виявлення і оцінка генетичного розмаїття по набору генетичних маркерів трематод родини Opisthorchiidae – *Opisthorchis felinus*, *Metorchis bilis*, *Pseudamphistomum truncatum*, *Metorchis xantosomus* та створення основ для багатосторонніх й комплексних досліджень з геносистематики, молекулярної паразитології, молекулярної епідеміології печінкових присиснів. Методи дослідження – паразитологічні, біологічні, мікроскопічні, молекулярно-генетичні, епізоотологічні. Проведений генетичний аналіз печінкової двуустки показав унікальне низьке генетичне розмаїття незважаючи на географічно величезний діапазон. Швидке розширення збудників каже про походження з однієї предкової популяції. Отримані данні дають можливість висунути гіпотезу що предкова популяція була дуже невеликою, завдяки здатності цього паразита відтворюватися клонально. Важливо відзначити, що низька генетична різноманітність цього паразитичного виду, як видається, не зробило впливу на адаптивність, що підтверджується широким сучасним ареалом та високою швидкістю зараження хазяїв по всій території.

Реферат (англ)

Object of research – opisthorchid flukes, parasites, fish, genome, mollusks, carnivorous, water objects. Purpose of work – to identify and estimate by a set of genetic markers the genetic diversity of Trematoda family Opisthorchiidae – *Opisthorchis felinus*, *Metorchis bilis*, *Pseudamphistomum truncatum*, *Metorchis xantosomus* and to provide a basis for a multilateral and complex research on gene systematics, molecular parasitology, molecular epidemiology of liver flukes. Research Methods – parasitological, biological, microscopic, molecular genetic, epizootological. The first population genetic analysis of Siberian and Ukraine liver fluke revealed its uniquely low genetic diversity across geographically enormous range. We suggest that severe geoclimatic events during the Quaternary epoch led to virtually complete extinction of this species. Upon completion of the last glaciation, *O. felinus* underwent rapid expansion from a single ancestral population. In fact, this ancestral population could have been very small, due to the ability of this parasite to reproduce clonally. Importantly, low genetic diversity of this parasitic species appears to have had no impact on its adaptivity, which is supported by its wide present-day distribution range and high infestation rate of hosts across the entire territory.

Індекс УДК: 619, 619:995.1:577.2(477)

Коди тематичних рубрик НТІ: 68.41

6. Науково-технічна продукція (НТП)

НТП 1

Назва продукції (укр): Генетична мінливість присиснів родини Opisthorchiidae у природних осередках опісторхідозів Російської Федерації і України

Назва продукції (англ): Genetic variability of liver flukes of Opisthorchiidae family in natural foci of opisthorchiidiasis in Russian Federation and Ukraine

Очікувані результати:

Галузь застосування: біологія, медицина, ветеринарна медицина, екологія

Опис продукції (укр): Науковий звіт щодо генетичної варіабельності, філогеографії, екології епідеміології паразитів родини Opisthorchidae.

Соціально-економічна спрямованість НТП:

Стадія завершеності НТП: Звіт по НДДКР

Впровадження НТП: Не впроваджено

Строки впровадження: -

Виробник продукції: ННЦ "ІЕКВМ"

Споживачі продукції: медицина, ветеринарна медицина

Перспективні ринки: Україна

Права інтелектуальної власності: «Ноу-хау»

Форми та умови передачі продукції: Спільні НДДКР

7. Бібліографічний опис

8. Звітна документація

Кількість сторінок в звіті: 30

Мова звіту: Українська

Кількість файлів у звіті: 1

9. Заключні відомості

Перелік осіб-виконавців

Євтушенко Інна Дмитрівна

Герілович Антон Павлович

Солодянкін Олексій Сергійович

Стегній Антон Борисович

Керівник організації:

Стегній Борис Тимофійович

Керівники роботи:

Євтушенко Андрій Володимирович

**Керівник відділу реєстрації наукової діяльності
УкрІНТЕІ**



Юрченко Т.А.