

Облікова картка НДДКР

Державний обліковий номер: 0213U008049

Державний реєстраційний номер: 0111U006563

Відкрита

Дата реєстрації: 03-12-2013



1. Етапи виконання

Номер етапу: 2

Назва етапу: Аналіз вибраних поліморфізмів у 100 хворих на рак простати і здорових чоловіків.

Початок етапу: 01-2013

Закінчення етапу: 12-2013

Вид звітнього документа: Остаточний звіт

2. Виконавець

Назва організації: Одеський національний університет ім. І.І. Мечникова

Код ЄДРПОУ/ІПН: 02010801

Підпорядкованість: Міністерство охорони здоров'я України

Адреса: 65026, Україна, м.Одеса, вул. Дворянська, 2

Телефон: 7165636

E-mail: nadezhdaogmu@yandex.ru

3. Власник результатів НДДКР (продукції)

Назва організації: Міністерство охорони здоров'я України

Код ЄДРПОУ/ІПН: 00012925

Адреса: вул. Грушевського, 7, м. Київ, Київська обл., 01021, Україна

Підпорядкованість: Кабінет Міністрів України

Телефон: 380442536194

E-mail: moz@moz.gov.ua

WWW: <http://moz.gov.ua>

4. Джерела та напрями фінансування

Підстава для проведення робіт: 43 - власна ініціатива (якщо робота виконується з власної ініціативи за кошти виконавця НДР або безкоштовно)

КПКВК: 2301050

Напрямок фінансування: 2.2 - прикладні дослідження і розробки

Джерела фінансування

Джерело фінансування: 7713 - кошти держбюджету

Фактичний обсяг фінансування за звітний етап: 450 тис. грн.

5. Науково-технічна робота

Назва роботи (укр)

Розробка та впровадження у практику генетичних маркерів (на основі поліморфізму генів) схильності до раку молочної залози та простати.

Назва роботи (англ)

Development and implementation in practice genetic markers of susceptibility to breast cancer and prostate.

Реферат (укр)

Вивчена частота поліморфізмів пов'язаних з ризиком розвитку неспадкового раку простати і молочної залози. З 16 SNP взятих для вивчення схильності до раку молочної залози були визначені 4 локуса пов'язаних з ризиком раку молочної залози в генах TOX3 (Rs 3803662), FGFR2 (Rs 2981582), SLC4A7 (Rs 4973768) і MAP3K1 (Rs 889312). Відносний ризик для SLC4A7 (Rs 4973768) склав 1,78 при $p = 0,06$. Для решти поліморфізм відносний ризик наближався до достовірних значень. При раку простати з 7 SNP виявлено один поліморфізм у гені ZNF652 з относитльним ризиком 1,74 лежачим в області достовірних значень ($p \geq 0,055$) . Зазначені поліморфізми можливо використовувати для тестування схильності до раку простати та молочної залози

Реферат (англ)

Studied polymorphism frequency is associated with risk of non-hereditary prostate and breast cancer. Of the 16 SNP taken to study the susceptibility to breast cancer have been identified four loci associated with breast cancer risk in the genes TOX3 (Rs 3,803,662), FGFR2 (Rs 2,981,582), SLC4A7 (Rs 4,973,768), and MAP3K1 (Rs 889,312). The relative risk for SLC4A7 (Rs 4,973,768) was 1.78 at $p = 0,06$. For the rest polymorphism relative risk approaching the authentic values. In prostate cancer, of 7 SNP identified a SNP polymorphism in the gene ZNF652 with 1.74 relative risk was close to statistically significant values ($p \geq 0,055$). These polymorphisms can be used to test the susceptibility to prostate cancer and breast cancer .

Індекс УДК: 618, 618.19-006.6:612.617.7-006.6:575.174.015.3

Коди тематичних рубрик НТІ: 76.29.48

6. Науково-технічна продукція (НТП)

НТП 1

Назва продукції (укр): Розробка та впровадження у практику генетичних маркерів (на основі поліморфізму генів) схильності до раку молочної залози та простати.

Назва продукції (англ): Development and implementation in practice genetic markers of susceptibility to breast cancer and prostate.

Очікувані результати:

Галузь застосування: медицина

Опис продукції (укр): Вивчена частота поліморфізмів пов'язаних з ризиком розвитку неспадкового раку простати і молочної залози. З 16 SNP взятих для вивчення схильності до раку молочної залози були визначені 4 локуса пов'язаних з ризиком раку молочної залози в генах TOX3 (Rs 3803662), FGFR2 (Rs 2981582), SLC4A7 (Rs 4973768) і MAP3K1 (Rs 889312) . Відносний ризик для SLC4A7 (Rs 4973768) склав 1,78 при $p = 0,06$. Для решти поліморфізм відносний ризик наближався до достовірних значень. При раку простати з 7 SNP виявлено один поліморфізм у гені ZNF652 з относитльним ризиком 1,74 лежачим в області достовірних значень ($p \geq 0,055$) . Зазначені поліморфізми можливо використовувати для тестування схильності до раку простати та молочної залози

Соціально-економічна спрямованість НТП:

Стадія завершеності НТП: Звіт по НДДКР

Впровадження НТП: Впроваджено

Строки впровадження: 2013

Виробник продукції: ОНМедУ

Споживачі продукції: медичні установи

Перспективні ринки: Україна

Права інтелектуальної власності: Подано заявку на видачу охоронного документу

Форми та умови передачі продукції: Продаж ліцензії

7. Бібліографічний опис

Sandeep Kumar Botla, Diagnostic values of GHSR DNA methylation pattern in breast cancer./Sandeep Kumar Botla, Bubnov V.V. and all.//Breast Cancer Res Treat DOI 10.1007/s10549-012-2197-z; Vladimir Bubnov. Hypermethylation of TUSC5 genes in breast cancer tissue /Vladimir Bubnov1*, Evgeni Moskalev2 , Yuriy Petrovskiy1, Andrea Bauer2, Joerg Hoheisel2 , Valeriy Zaporozhan1//Experimental Oncology- 2012-4; Hypermethylation of TUSC5 genes in breast cancer tissue/Vladimir Bubnov, Evgeni Moskalev, Petrovskiy Y.[et al] // Experimental Oncology-2012-N4-P. 47-50.

8. Звітна документація

Кількість сторінок в звіті: 32

Мова звіту: Українська

Кількість файлів у звіті: 1

9. Заключні відомості

Перелік осіб-виконавців

Бубнов Владимир Вячеславович

Вербицкая Томара Георгиевна

Запорожан Валерий Николаевич

Омельчук Александра Євгеновна

Поклад Ганна Миколаївна.

Керівник організації:

Запорожан Валерій Миколайович

Керівники роботи:

Запорожан Валерій Миколайович 487/11-13

Керівник відділу реєстрації наукової діяльності
УкрІНТЕІ



Юрченко Т.А.