Реєстраційна картка НДДКР

Державний реєстраційний номер: 0125U002944

Відкрита

Дата реєстрації: 10-07-2025

Статус виконавця: 17 - головний виконавець

1. Загальні відомості

Підстава для проведення робіт: 34 - договір (замовлення) з центральним органом виконавчої влади, академією наук (головними розпорядниками бюджетних коштів на проведення НДДКР)

КПКВК: 6541030

Напрям фінансування: 2.1 - фундаментальні дослідження

Джерела фінансування

7713 - кошти держбюджету

Загальний обсяг фінансування (тис. грн.): 300.000

У тому числі по роках (тис. грн.):

Рік	Фінансування
2025	100.000
2026	200.000

2. Замовник

Назва організації: Національна академія наук України

Код ЄДРПОУ/ІПН: 00019270

Адреса: вул. Володимирська, буд. 54, м. Київ, 01601, Україна

Підпорядкованість:

Телефон: 380442343243

E-mail: prez@nas.gov.ua

WWW: http://nas.gov.ua

3. Виконавець

Назва організації: Державна установа "Інститут харчової біотехнології та геноміки Національної академії наук України"

Код ЄДРПОУ/ІПН: 02128514

Підпорядкованість: Національна академія наук України

Адреса: вул. Байди-Вишневецького, буд. 2-а, м. Київ, 04123, Україна

Телефон: 380444630532

E-mail: office.ifbg@nas.gov.ua

WWW: http://ifbg.org.ua

4. Співвиконавець

5. Науково-технічна робота

Назва роботи (укр)

Геномна еволюція родини генів тубуліну у різних підвидів Brassica rapa

Назва роботи (англ)

Genomic evolution of the tubulin gene family in different subspecies of Brassica rapa

Мета роботи (укр)

Метою запропонованої науково-дослідної роботи є вивчення геномної еволюції родини генів тубуліну у різних підвидів суріпиці (Brassica rapa) шляхом проведення комплексного біоінформатичного аналізу та молекулярно-генетичного аналізу. Робота передбачає ідентифікацію, структурну анотацію та порівняння послідовностей генів тубуліну у представників різних підвидів суріпиці, із залученням передових підходів порівняльної геноміки та великого обсягу геномних даних (до 30 збірок геномів підвидів B. rapa). Окремим завданням є оцінка варіабельності інтронів □-тубулінових генів для виявлення надійних маркерів поліморфізму довжини інтронів (Intron Length Polymorphism, ILP), що дозволить створити інформативну систему молекулярних маркерів для використання у селекційній роботі. У ширшому контексті, проєкт дозволить відстежити еволюцію родини генів тубуліну в межах виду B. rapa та отримати нові знання про функціональну роль цих генів у формуванні міжпідвидової генетичної диференціації. Отримані результати матимуть практичну цінність для біології розвитку рослин, геноміки, систематики та селекції хрестоцвітих культур.

Мета роботи (англ)

The aim of the proposed research work is to study the genomic evolution of the tubulin gene family in different subspecies of Brassica rapa by conducting a comprehensive bioinformatic analysis and molecular genetic analysis. The work involves the identification, structural annotation and comparison of tubulin gene sequences in representatives of different subspecies of Brassica rapa, involving advanced comparative genomics approaches and a large amount of genomic data (up to 30 genome assemblies of B. rapa subspecies). A separate task is to assess the variability of □-tubulin gene introns to identify reliable markers of intron length polymorphism (ILP), which will allow creating an informative system of molecular markers for use in breeding work. In a broader context, the project will allow tracking the evolution of the tubulin gene family within the B. rapa species and gaining new knowledge about the functional role of these genes in the formation of inter-subspecific genetic differentiation. The results obtained will have practical value for plant developmental biology, genomics, systematics, and breeding of cruciferous crops.

Пріоритетний напрям науково-технічної діяльності: Фундаментальні наукові дослідження з найважливіших проблем розвитку науково-технічного, соціально-економічного, суспільно-політичного, людського потенціалу

Стратегічний пріоритетний напрям інноваційної діяльності:

Вид роботи: 39 - фундаментальна

Очікувані результати: Методи, теорії

Галузь застосування: Харчова промисловість, сільське господарство, геноміка, ботаніка, біологічні дослідження

6. Етапи виконання

Номер	Початок	Закінчення	Звітний документ	Назва етапу
1	07.2025	12.2025	Проміжний звіт	Геномна ідентифікація родини генів тубулінів у різних підвидів суріпиці (Brassica rapa)
2	01.2026	12.2026	Остаточний звіт	Оцінка інтронної варіабельності та експериментальне генотипування підвидів суріпиці (Brassica rapa)

7. Індекс УДК тематичних рубрик НТІ

Коди тематичних рубрик НТІ: 34.15.23, 34.15.05, 34.23.57

Індекс УДК: 577.21, 577.2.08, 631.52;630*165.3, 577.21, 577.2.08, 631.52;630*165.3

8. Заключні відомості

Керівник організації:

Блюм Ярослав Борисович (д. б. н., професор, академік НАН України)

Керівники роботи:

Блюм Ростислав Ярославович

Відповідальний за подання документів: Блюм Р.Я. (Тел.: +38 (099) 433-14-82)

Керівник відділу реєстрації наукової діяльності УкрІНТЕІ

Юрченко Т.А.