

Реєстраційна картка НДДКР

Державний реєстраційний номер: 0125U002675

Відкрита

Дата реєстрації: 11-06-2025

Статус виконавця: 17 - головний виконавець



1. Загальні відомості

Підстава для проведення робіт: 34 - договір (замовлення) з центральним органом виконавчої влади, академією наук (головними розпорядниками бюджетних коштів на проведення НДДКР)

КПКВК: 6541030

Напрям фінансування: 2.1 - фундаментальні дослідження

Джерела фінансування

7713 - кошти держбюджету

Загальний обсяг фінансування (тис. грн.): 19780.000

У тому числі по роках (тис. грн.):

Рік	Фінансування
2026	3956.000
2027	3956.000
2028	3956.000
2029	3956.000
2030	3956.000

2. Замовник

Назва організації: Національна академія наук України

Код ЄДРПОУ/ІПН: 00019270

Адреса: вул. Володимирська, буд. 54, м. Київ, 01601, Україна

Підпорядкованість:

Телефон: 380442343243

E-mail: prez@nas.gov.ua

WWW: <http://nas.gov.ua>

3. Виконавець

Назва організації: Інститут молекулярної біології і генетики Національної академії наук України

Код ЄДРПОУ/ІПН: 05417101

Підпорядкованість: Національна академія наук України

Адреса: вул. Академіка Заболотного, буд. 150, м. Київ, 03143, Україна

Телефон: 380442000356

Телефон: 380445261169

E-mail: inform@imbg.org.ua

WWW: <http://www.imbg.org.ua>

4. Співвиконавець

5. Науково-технічна робота

Назва роботи (укр)

Аналіз регуляторних елементів геномних РНК і ДНК патогенних вірусів людини методами комп'ютерної біології

Назва роботи (англ)

Analysis of regulatory elements of genomic RNA and DNA of pathogenic human viruses using computational biology methods

Мета роботи (укр)

Встановити низку взаємопов'язаних теоретичних завдань, які охоплюють структурний, енергетичний та порівняльний аналіз регуляторних елементів вірусних РНК і ДНК із використанням сучасних методів комп'ютерної біології. У проєкті буде використано широкий спектр сучасних обчислювально-біологічних, біоінформатичних, структурно-моделювальних, молекулярно-динамічних та квантово-хімічних методів, які забезпечать багаторівневий підхід до аналізу регуляторних елементів вірусних геномів. Проєкт спрямовано на вирішення одного з ключових завдань сучасної вірусології та молекулярної біології глибокого вивчення регуляторних елементів геномів вірусів, які мають найбільше епідеміологічне та соціальне значення: SARS-CoV-2, ВІЛ-1, вірусів гепатитів В і С.

Мета роботи (англ)

To establish a number of interrelated theoretical tasks that cover the structural, energetic and comparative analysis of regulatory elements of viral RNA and DNA using modern methods of computational biology. The project will use a wide range of modern computational biological, bioinformatics, structural modeling, molecular dynamics and quantum chemical methods that will provide a multi-level approach to the analysis of regulatory elements of viral genomes. The project is aimed at solving one of the key tasks of modern virology and molecular biology – in-depth study of regulatory elements of the genomes of viruses that have the greatest epidemiological and social significance: SARS-CoV-2, HIV-1, hepatitis B and C viruses.

Пріоритетний напрям науково-технічної діяльності: Фундаментальні наукові дослідження з найважливіших проблем розвитку науково-технічного, соціально-економічного, суспільно-політичного, людського потенціалу

Стратегічний пріоритетний напрям інноваційної діяльності:

Вид роботи: 39 – фундаментальна

Очікувані результати: Методичні документи, Аналітичні матеріали

Галузь застосування: Внести вагомий внесок у розуміння механізмів регуляції вірусних інфекцій та закладення основ для нових підходів до контролю патогенних вірусів. Результати будуть опубліковані у формі наукових статей у фахових виданнях та апробовані на вітчизняних та міжнародних конференціях та форумах. Буде підготовлено матеріали для створення методичних посібників для викладання у ЗВО (зкладах вищої освіти) відповідних спекурсів.

6. Етапи виконання

Номер	Початок	Закінчення	Звітний документ	Назва етапу
1	01.2026	12.2026	Проміжний звіт	Біоінформатичний та квантово-хімічний аналіз структури областей геномної РНК SARS-CoV-2, що містять сайти модифікації p та m6A.
2	01.2027	12.2027	Проміжний звіт	Біоінформатичний та квантово-хімічний аналіз структури регуляторних елементів у геномній РНК BIL-1 (домен RRE і 5'-лідерна область)
3	01.2028	12.2028	Проміжний звіт	Біоінформатичний та квантово-хімічний аналіз структури регуляторних елементів у геномній РНК та про-геномній ДНК BIL-1 (сайт сплайсинга A3 та промоторні ділянки).
4	01.2029	12.2029	Проміжний звіт	Біоінформатичний та квантово-хімічний аналіз областей геномної РНК вірусу гепатиту С, що містять регуляторні елементи
5	01.2030	12.2030	Остаточний звіт	Біоінформатичний та квантово-хімічний аналіз регуляторних елементів у геномній ДНК та прогеномній РНК вірусу гепатиту В. Формулювання узагальнюючих висновків за результатами п'ятирічного циклу досліджень. Ідентифікація потенційних універсальних мішеней для протівірусної терапії.

7. Індекс УДК тематичних рубрик НТІ

Коди тематичних рубрик НТІ: 34.15.31

Індекс УДК: 578.2'21

8. Заключні відомості

Керівник організації:

Тукало Михайло Арсентійович (д. б. н., академік НАНУ)

Керівники роботи:

Горб Леонід Григорович (д. х. н., професор)

Відповідальний за подання документів: Ширина Т.В, (Тел.: +38 (097) 193-57-41)

Керівник відділу реєстрації наукової діяльності
УкрІНТЕІ



Юрченко Т.А.